



Hôpitaux
Universitaires
Genève



DIAGNOSTIQUE / Service de Pathologie Clinique

Centre Médical Universitaire
1 rue Michel Servet - 1211 Genève 14

Laboratoire de pathologie moléculaire et génomique

PATH-MOL

<https://www.hug.ch/feuilles-de-demande>

Médecin Chef : Prof. Laura Rubbia-Brandt
Médecin Responsable : Dre A.-L. Rougemont (022 37) 28 568
Responsable technique : Margaret Berczy (022 37) 24 942
Bâtiment E-F - 5^{ème} étage - Local : E05.2949.a
E-mail : Biologie.M.Laboratoire@hcuge.ch

Nom :

Prénom :

Date de naissance :

Rue/N°:.....

Localité, No postal :.....

Adresse pour facturation: Patient Demandeur Assurance

N° AVS (AI obligatoire) :

Assurance : N° Assuré :

Prescripteur (Nom/Prénom - Rue/N°- Localité, No postal - Tel/Fax) :

Médecins en copie (Nom/Prénom - Rue/N°- Localité, No postal - Tel/Fax): *Le laboratoire demandeur/prescripteur a obtenu l'accord du prescripteur/patient pour transmettre des copies à d'autres médecins que le médecin prescripteur :*

Matériel : Biopsie fixée Biopsie fraîche/congelée 2^e intention Sang Moelle ADN

Diagnostic/ Renseignements cliniques :

Cette liste comprend l'ensemble des analyses du Pathologie Moléculaire réalisées par le Service de Pathologie Clinique.

Les pathologistes se réservent le droit d'évaluer la pertinence de la demande et de la modifier en fonction du diagnostic histologique ou présomptif. De plus, le choix de la technique la plus adéquate incombe aux biologistes du laboratoire, et sera fonction de la qualité/quantité du matériel notamment.

Les analyses en grisé sont réservées à la prescription par les pathologistes.

- Pour toute demande concernant du matériel provenant d'un autre laboratoire, veuillez nous faire parvenir un bloc de paraffine représentatif, accompagné de la lame HE correspondante et du rapport histologique. Le matériel sera restitué à l'issue de l'analyse.

- Pour les demandes concernant du sang ou de la moelle, veuillez nous faire parvenir un tube Citraté (hémogard bleu clair 3ml), EDTA (hémogard mauve 3ml) ou Hépariné (hémogard vert 4ml).

PANEL NGS	Inclus dans le rapport	+ Autres	TARMED
Panel hotspot 100 gènes*:			5x 37.0570
<input type="checkbox"/> Adénocarcinome du côlon	KRAS, NRAS, BRAF		
<input type="checkbox"/> Carcinome du poumon	EGFR, BRAF, KRAS, HER2	ALK, ROS	
<input type="checkbox"/> Mélanome	BRAF, NRAS, KIT		
<input type="checkbox"/> GIST	KIT, PDGFRa		
<input type="checkbox"/> Gliome	IDH1, IDH2	MGMT, TERT, Del 1p/19q,	
<input type="checkbox"/> Autre (screening)			
<input type="checkbox"/> Panel BRCA1/2 tumoral (inclus dans le panel 400 gènes)			5x 37.0570
<input type="checkbox"/> Screening 100 gènes*			5x 37.0570
<input type="checkbox"/> Panel Screening 400 gènes ***			7x 37.0570
<input type="checkbox"/> Panel Fusion**			5x 37.0570

Liste des gènes de panels sous :

* Pour la liste complète des gènes, s'adresser au laboratoire. Agilent SureSelect XT HS Target Enrichment System. La liste est visible sous <http://www.intrahug.ch/activites/feuilles-de-demandes> et <https://www.hug.ch/feuilles-de-demande> et PATHMOL-HEMOPAT - Liste des gènes du panel NGS 100

** <https://support.illumina.com/downloads/trusight-rna-fusion-gene-list.html>

*** Pour la liste des gènes, s'adresser au laboratoire Agilent SureSelect XT HS Target Enrichment System

VARIATION DU NOMBRE DE COPIES	TARMED
<input type="checkbox"/> Oncoscan <input type="checkbox"/> y compris HRD	4x 37.0530

LYMPHOMES	TARMED
Clonalité IgH/TCR : <input type="checkbox"/> Immunoglobulines (IgH)	3x 37.0540
<input type="checkbox"/> Récepteurs des cellules T (TCR)	3x 37.0540
Translocation Lymphomes : <input type="checkbox"/> BCL1 (CCND1) <input type="checkbox"/> BCL2 <input type="checkbox"/> BCL6 <input type="checkbox"/> CMYC <input type="checkbox"/> MALT1 <input type="checkbox"/> IgH	1x 37.0530

LLC par Oncoscan uniquement sur tissu fixé. Pour ponction de moelle fraîche voir feuille de demande CYTOHEM-HEMOPAT	TARMED
<input type="checkbox"/> Marqueurs pronostiques (perte ATM, TP53, 13q14, et trisomie 12)	4x 37.0530

SARCOMES / TUMEURS DES TISSUS MOUS	TARMED
Voir panel NGS fusion incluant entre autres :	
<input type="checkbox"/> EWSR1 <input type="checkbox"/> FOXO1(FKHR) <input type="checkbox"/> SS18 <input type="checkbox"/> DDIT3 <input type="checkbox"/> FUS <input type="checkbox"/> USP6 <input type="checkbox"/> TFE3 <input type="checkbox"/> ETV6	
<input type="checkbox"/> BRAF-KIAA1549	
Liste des gènes : https://support.illumina.com/downloads/trusight-rna-fusion-gene-list.html	5x37.0570

GENES REPARATEURS DE L'ADN statut de méthylation par HRM PCR	TARMED
<input type="checkbox"/> MGMT <input type="checkbox"/> MLH1	2x 37.0540

METHYLOME par Infinium EPIC Chip Array	TARMED
<input type="checkbox"/> Classification des tumeurs cérébrales ^{na}	1x 37.0530

AGENT INFECTIEUX PAR PCR uniquement sur prélèvement fixé	TARMED
<input type="checkbox"/> Human Papilloma Virus (HPV) - typisation	2x 37.0540
<input type="checkbox"/> Mycobactérie Tuberculosis Complex (IS6110)	1x 37.0540

MUTATIONS / InDel par séquençage Sanger (ordre alphabétique)	TARMED
<input type="checkbox"/> BRAF exons 11, 15	<input type="checkbox"/> KRAS exons 2, 3, 4
<input type="checkbox"/> CTNNB1 exon 3, 7, 8	<input type="checkbox"/> MET Skipping exon 14
<input type="checkbox"/> CXCR4 exon 2	<input type="checkbox"/> MYD88 exon 5
<input type="checkbox"/> EGFR exons 18-21	<input type="checkbox"/> NRAS exons 2, 3, 4
<input type="checkbox"/> GNAS exons 8,9	<input type="checkbox"/> PDGFR α exons 12, 14, 18
<input type="checkbox"/> HRAS exons 2,3	<input type="checkbox"/> PIK3CA exons 10, 21
<input type="checkbox"/> IDH1 exon 4	<input type="checkbox"/> POLE exons 9, 13
<input type="checkbox"/> IDH2 exon 4	<input type="checkbox"/> TERT promoteur
<input type="checkbox"/> KIT exons 8, 9, 11, 13, 17	1x 37.0540/exon

MUTATIONS / FUSIONS par Idylla	TARMED
<input type="checkbox"/> M-Idylla KRAS ^{na}	<input type="checkbox"/> M-Idylla BRAF ^{na}
<input type="checkbox"/> M-Idylla EGFR ^{na}	<input type="checkbox"/> M-Idylla Fusion ^{na}
	1x 37.0540

^{na} = non accrédité