



Hôpitaux  
Universitaires  
Genève



**DIAGNOSTIQUE / Service de Pathologie Clinique**  
Centre Médical Universitaire  
1 rue Michel Servet - 1211 Genève 14

**Laboratoire de pathologie moléculaire et génomique**

**PATH-MOL**

<https://www.hug.ch/feuilles-de-demande>

Médecin Cheffe : Prof. Laura Rubbia-Brandt  
Médecin Responsable : Dr. Claudio De Vito (022 37) 28 580  
Responsable technique : Dr sc. Tanguy Araud (022 37) 24 942  
Bâtiment E-F - 5<sup>ème</sup> étage - Local : E05.2949.a  
E-mail : [Biologie.M.Laboratoire@hug.ch](mailto:Biologie.M.Laboratoire@hug.ch)

☐ M ☐ Mme

Nom : .....

Prénom : .....

Date de naissance : .....

Rue/N°:.....

Localité, No postal :.....

Adresse pour facturation: ☐ Patient ☐ Demandeur ☐ Assurance

N° AVS (AI obligatoire) : .....

Assurance : ..... N° Assuré : .....

**Prescripteur** (Nom/Prénom - Rue/N° - Localité, No postal - Tel/Fax) :

**Médecins en copie** (Nom/Prénom - Rue/N° - Localité, No postal - Tel/Fax): [Le laboratoire demandeur/prescripteur a obtenu l'accord du prescripteur/patient pour transmettre des copies à d'autres médecins que le médecin prescripteur :](#)

**Matériel** : ☐ Biopsie fixée ☐ Biopsie fraîche/congelée ☐ 2<sup>e</sup> intention ☐ Sang ☐ Moelle ☐ ADN

**Diagnostic/ Renseignements cliniques** : .....

Cette liste comprend l'ensemble des analyses du Pathologie Moléculaire réalisées par le Service de Pathologie Clinique.

Les pathologistes se réservent le droit d'évaluer la pertinence de la demande et de la modifier en fonction du diagnostic histologique ou présomptif. De plus, le choix de la technique la plus adéquate incombe aux biologistes du laboratoire, et sera fonction de la qualité/quantité du matériel notamment.

Les analyses en grisé sont réservées à la prescription par les pathologistes.

- Pour toute demande concernant du matériel provenant d'un autre laboratoire, veuillez nous faire parvenir un bloc de paraffine représentatif, accompagné de la lame HE correspondante et du rapport histologique. Le matériel sera restitué à l'issue de l'analyse.

- Pour les demandes concernant du sang ou de la moelle, veuillez nous faire parvenir un tube Citraté (hémogard bleu clair 3ml), EDTA (hémogard mauve 3ml) ou Hépariné (hémogard vert 4ml).

**PANEL NGS**

**Inclus dans le rapport**

**+ Autres**

Panel hotspot 100 gènes\*:

- |  |                               |                                       |
|--|-------------------------------|---------------------------------------|
| <input type="checkbox"/> Adénocarcinome du côlon | <i>KRAS, NRAS, BRAF</i>       |                                       |
| <input type="checkbox"/> Carcinome du poumon     | <i>EGFR, BRAF, KRAS, HER2</i> | <i>ALK, ROS, MET exon 14 skipping</i> |
| <input type="checkbox"/> Mélanome                | <i>BRAF, NRAS, KIT</i>        |                                       |
| <input type="checkbox"/> GIST                    | <i>KIT, PDGFRa</i>            |                                       |
| <input type="checkbox"/> Gliome                  | <i>IDH1, IDH2</i>             | <i>MGMT, TERT, Del 1p/19q,</i>        |
| <input type="checkbox"/> Autre (screening)       |                               |                                       |

☐ Panel *BRCA1/2* tumoral (inclus dans le panel 400 gènes)

☐ Screening 100 gènes\*

☐ Panel Screening 400 gènes \*\*\*

☐ Panel Fusion\*\*

**Liste des gènes de panels sous :**

\* Pour la liste complète des gènes, s'adresser au laboratoire. Agilent SureSelect XT HS Target Enrichment System. La liste est visible sous <http://www.intrahug.ch/activites/feuilles-de-demandes> et <https://www.hug.ch/feuilles-de-demande> et PATHMOL-HEMOPAT - Liste des gènes du panel NGS 100

\*\* <https://support.illumina.com/downloads/truSight-rna-fusion-gene-list.html>

\*\*\* Pour la liste des gènes, s'adresser au laboratoire Agilent SureSelect XT HS Target Enrichment System

**VARIATION DU NOMBRE DE COPIES**

☐ Oncoscan y compris score HRD

Type de carcinome: ☐ ovaire ☐ prostate ☐ sein ☐ pancréas ☐ Autres :.....

Si envoi d'ADN Quantité Qubit : ..... ng/ul (Min 10ng/ul dans 10ul). **Analyse non effectuée si critère non respecté.**

Pourcentage tumoral (obligatoire) : ..... % (30% minimum). Résultat non garanti si critère non respecté.

Mutation *TP53* et fréquence allélique (si connue) : .....

## LYMPHOMES

Clonalité IgH/TCR : ☐ Immunoglobulines (IgH)  
☐ Récepteurs des cellules T (TCR)

Translocation Lymphomes : **uniquement sur tissu fixé. Pour ponction de moelle fraîche voir feuille de demande CYTOHEM-HEMOPAT**

☐ *BCL1 (CCND1)* ☐ *BCL2* ☐ *BCL6* ☐ *CMYC* ☐ *MALT1* ☐ *IGH*

## SARCOMES / TUMEURS DES TISSUS MOUS

Voir panel NGS fusion incluant entre autres :

☐ *EWSR1* ☐ *FOXO1(FKHR)* ☐ *SS18* ☐ *DDIT3* ☐ *FUS* ☐ *USP6* ☐ *TFE3* ☐ *ETV6*  
☐ *BRAF-KIAA1549*

Liste des gènes : <https://support.illumina.com/downloads/trusight-rna-fusion-gene-list.html>

## GENES REPARATEURS DE L'ADN statut de méthylation par HRM PCR

☐ *MGMT* ☐ *MLH1*

## METHYLOME

☐ Classification des tumeurs cérébrales par séquençage Nanopore <sup>na</sup> (**uniquement sur prélèvement frais ou ADN issu de prélèvement frais**)

☐ Classification des tumeurs cérébrales par Infinium EPIC Chip Array <sup>na</sup> (prélèvement fixé ou frais)

## AGENT INFECTIEUX PAR PCR **uniquement sur prélèvement fixé**

☐ Human Papilloma Virus (HPV) - typisation  
☐ Mycobactérie Tuberculosis Complex (IS6110)

## MUTATIONS / InDel par séquençage Sanger (ordre alphabétique)

<input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> exons 11, 15	<input type="checkbox"/> <i>KIT</i> exons 8, 9, 11, 13, 17
<input type="checkbox"/> <i>CTNNB1</i> exon 3, 7, 8	<input type="checkbox"/> <i>KRAS</i> exons 2, 3, 4
<input type="checkbox"/> <i>CXCR4</i> exon 2	<input type="checkbox"/> <i>MET</i> Skipping exon 14
<input type="checkbox"/> <i>EGFR</i> exons 18-21	<input type="checkbox"/> <i>MYD88</i> exon 5
<input type="checkbox"/> <i>FOXL2</i> exon 1	<input type="checkbox"/> <i>NRAS</i> exons 2, 3, 4
<input type="checkbox"/> <i>GNAS</i> exons 8,9	<input type="checkbox"/> <i>PDGFRα</i> exons 12, 14, 18
<input type="checkbox"/> <i>HRAS</i> exons 2,3	<input type="checkbox"/> <i>PIK3CA</i> exons 10, 21
<input type="checkbox"/> <i>IDH1</i> exon 4	<input type="checkbox"/> <i>POLE</i> exons 9, 13
<input type="checkbox"/> <i>IDH2</i> exon 4	<input type="checkbox"/> <i>TERT</i> promoteur

## MUTATIONS / FUSIONS par Idylla

☐ M-Idylla KRAS ☐ M-Idylla BRAF  
☐ M-Idylla EGFR ☐ M-Idylla Fusion

☐ Classification des nodules thyroïdiens par Thyroidprint

<sup>na</sup> = non accrédité