



Hôpitaux
Universitaires
Genève



DIAGNOSTIQUE / Service de Médecine Génétique

Centre d'accueil des prélèvements (CAP)
Bâtiment des Laboratoires (BATLab), local 8D-0-850.1
4 rue Gabrielle-Perret-Gentil, 1211 Genève 14

<https://www.hug.ch/feuilles-de-demande>

CYTOHEM

Laboratoire de cytogénétique hématologique

Chef du Service de Médecine Génétique : Prof. Marc ABRAMOWICZ
Responsable laboratoire: Dre sc. Danielle Martinet, FAMH génétique médicale. danielle.martinet@hcu.ge.ch (079 55 39 728)
Labo direct ou résultats : Tél. : (022 37) 23 945 / 29398
Centre d'accueil des prélèvements (CAP) : Tél (022 37) 21 800

Prescripteur (Nom/Prénom - Rue/N° - Localité, No postal - Tel/Fax) :

Identification laboratoire

Médecins en copie (Nom/Prénom - Rue/N° - Localité, No postal - Tel/Fax): *Le laboratoire demandeur/prescripteur a obtenu l'accord du prescripteur/patient pour transmettre des copies à d'autres médecins que le médecin prescripteur :*

Opposition du patient à l'enregistrement des résultats de cette demande dans le dossier patient informatique (DPI) des HUG

Prélèvement du : Heure :



DIAGNOSTIQUE / Service de Pathologie Clinique

Centre d'accueil des prélèvements (CAP)
Bâtiment des Laboratoires (BATLab), local 8D-0-850.1
4 rue Gabrielle-Perret-Gentil, 1211 Genève 14

<https://www.hug.ch/feuilles-de-demande>

HEMOPATH

Laboratoire de pathologie moléculaire et génomique

Médecin Chef : Prof. Laura Rubbia-Brandt
Responsable médical : Pr Thomas McKee (022 37) 24 973
Responsable laboratoire : Mme Margaret Berczy (022 37) 24 942
Responsable technique : M. Régis Darbellay, (022 37) 23 931
Labo direct ou résultats : Tél. : (022 37) 23 931/ 3

M. Mme (SVP: en caractères d'imprimerie)

Nom:.....

Nom de jeune fille :.....

Prénom :.....

Date de naissance : / /

Représentant légal si patient mineur : père mère

Nom/prénom :

Rue/N°:.....

Localité, No postal :.....

Unité d'hospitalisation : Médecin :.....

N° EdS :

Adresse pour facturation: Patient Demandeur Assurance

Nature du cas : Maladie AI Accident Maternité

N° AVS (AI obligatoire) :

Assurance : N° Assuré :

Demande d'analyses cytogénomique et moléculaire des néoplasies hématologiques

Renseignements cliniques **obligatoires** fournis par le prescripteur

Présentation initiale

Suivi

Rémission

Récidive

Post greffe : date..... Autogreffe

Allogreffe, Sexe donneur : M F

Traitement en cours non oui type :

Sang périphérique : proportion de blastes (%) :

Examen cytogénétique précédent :

non oui, date : N°.....

Résultat détaillé obligatoire

ou rapport à annexer

Tube / Matériel

E3 = Hémogard mauve 3 ml H4 = Hémogard vert 4 ml
E6 = Hémogard mauve 6 ml H6 = Hémogard vert 6 ml

SANG

HEMOPATH : 18 ml sang EDTA - 3x E6

+ tube supplémentaire CYTOHEM remise en fonction du laboratoire « REMISE_FCT » :
1x 3 ml sang EDTA - 1 x E3

CYTOHEM : 2x 6 ml sang hépariné - 2 x H6

+ tubes supplémentaires CYTOHEM remise en fonction du laboratoire « REMISE_FCT » :
2 x 6 ml sang hépariné - 2 x H6

MOELLE

HEMOPATH : 2 ml moelle EDTA - 1x E3

+ tube supplémentaire CYTOHEM remise en fonction du laboratoire « REMISE_FCT » :
1 ml moelle EDTA 1x E3

CYTOHEM : 6 ml moelle hépariné - 1x H6

+ tube supplémentaire CYTOHEM remise en fonction du laboratoire « REMISE_FCT » :
4 ml moelle hépariné - 1x H4

AUTRE MATERIEL

L'analyse est réalisée, en fonction de l'approche, soit au laboratoire d'oncogénomique du CHUV (STS 0651)-(caryotype, FISH, SNP array) où elle est réorientée, soit au laboratoire de pathologie moléculaire HEMOPATH (NGS, RT-PCR). Des tubes supplémentaires sont nécessaires pour la remise en fonction du laboratoire de cytogénétique hématologique (CYTOHEM).

Après le prélèvement, il est impératif que le matériel arrive au laboratoire dans les 5 heures pour la cytogénétique et au plus tard dans les 24h en moléculaire, afin d'assurer une qualité d'analyses.

Pour le NGS génomique (ADN)*, et le panel translocation Hemavision** la liste des gènes inclus est visible sous :

* <http://www.illumina.com/content/dam/illumina-marketing/documents/products/datasheets/datasheet-trusight-myeloid.pdf>

** https://dna-diagnostic.com/files/Downloads/HemaVision/HemaVision_28Q_Flyer_20170331.pdf

Selon le résultat Hemavision (28 fusions), un NGS panel fusion (503 gènes) <https://support.illumina.com/downloads/trusight-rna-fusion-gene-list.html> peut-être demandé au laboratoire de PATHMOL <https://www.hug.ch/sites/interhug/files/structures/gr-demande-analyse/patho-pathmol.pdf>

Néoplasies myéloïdes

Présentation	Suivi
LMA Leucémie myéloïde aiguë	
<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> NGS Panel Myeloïde * (inclus <i>FLT3, NPM1, CEBPA</i>) <input type="checkbox"/> Panel de translocation Hémavision ** <input type="checkbox"/> <i>WT1</i> expression (quantitatif)	<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std: transmis au CHUV <input type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> NGS Panel Myeloïde* (inclus <i>FLT3, NPM1, CEBPA</i>) <input type="checkbox"/> <i>NPM1</i> quantitatif <input type="checkbox"/> Mut A <input type="checkbox"/> Mut B/D <input type="checkbox"/> <i>PML-RARA</i> quantitatif <input type="checkbox"/> bcr1 <input type="checkbox"/> bcr2 <input type="checkbox"/> bcr3 <input type="checkbox"/> <i>CBFB-MYH11</i> type A quantitatif <input type="checkbox"/> <i>RUNX1-RUNX1T1</i> quantitatif <input type="checkbox"/> <i>WT1</i> expression quantitatif
SMD syndrome myélodysplasique	
<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std: transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde *	<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde *
LMC Leucémie myéloïde chronique	
<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std: transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> <i>BCR-ABL</i> (M-bcr, m-bcr, u-bcr) (qualitatif)	<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std: transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> <i>BCR-ABL</i> M-bcr <input type="checkbox"/> <i>BCR-ABL</i> m-bcr <input type="checkbox"/> <i>BCR-ABL</i> u-bcr <input type="checkbox"/> Mutation <i>BCR-ABL</i> (résistance TK)
NMP- NMP/SMD_ Néoplasie myéloproliférative - néoplasie myéloproliférative/myélodysplasique	
<input type="checkbox"/> LMMC <input type="checkbox"/> PV <input type="checkbox"/> TE <input type="checkbox"/> MFP <input type="checkbox"/> Autres	
<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> NGS Panel Myeloïde * (inclus <i>JAK2 V617F+ex12, CALR, MPL, KIT D816V</i>) <input type="checkbox"/> <i>JAK2 V617F</i> <input type="checkbox"/> <i>CALR (exon9)</i> <input type="checkbox"/> Panel de translocation Hémavision ** (inclus <i>FIP1L1-PDGFR</i>)	<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std: transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique: transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> NGS Panel Myeloïde*(inclus <i>JAK2 V617F+ex12, CALR, MPL, KIT D816V</i>) <input type="checkbox"/> <i>JAK2 V617F</i> quantitatif
Néoplasie myéloïde / lymphoïde avec éosinophilie	
<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH (PDGFRA, PDGFRB, FGR1, PCM-JAK2) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV	<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std: transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHU <input type="checkbox"/> FISH (PDGFRA, PDGFRB, FGR1, PCM-JAK2) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV
AA Anémie Aplasique	
<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique: transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique: transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN): transmis au CHUV <input type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde* (inclus <i>FLT3</i> et <i>ASXL1</i>)	<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique: transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN): transmis au CHUV <input type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde* (inclus <i>FLT3</i> et <i>ASXL1</i>)
Autres néoplasies myéloïdes:	
<input type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique: transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde * <input type="checkbox"/> Panel de translocation Hémavision **	<input type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique: transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde *

En vert = analyse réorientée au CHUV (STS 0651)

Néoplasies Lymphoïdes

Présentation	Suivi
LLA Leucémie Lymphoïde aiguë <input type="checkbox"/> B <input type="checkbox"/> T	
<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV ° <input type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV	<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV
<input type="checkbox"/> BCR-ABL (M-bcr, m-bcr, u-bcr) <input type="checkbox"/> Panel de translocation Hémavision **	<input type="checkbox"/> BCR-ABL M-bcr <input type="checkbox"/> BCR-ABL m-bcr <input type="checkbox"/> BCR-ABL u-bcr
Néoplasie plasmocytaire <input type="checkbox"/> Myélome <input type="checkbox"/> MGUS <input type="checkbox"/> Autres	
<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV	<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV
LLC Leucémie Lymphocytaire Chronique	
<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV	<input type="checkbox"/> Analyses cytogénomiques std : transmis au CHUV <input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV
<input checked="" type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde* (inclus TP53)	<input type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde* (inclus TP53)
Lymphome <input type="checkbox"/> B <input type="checkbox"/> T <input type="checkbox"/> Autres	
Voir feuille de demande de pathologie moléculaire PATHMOL sous : Externe : https://www.hug.ch/sites/interhug/files/structures/gr-demande-analyse/patho-pathmol.pdf Interne : http://www.intrahug.ch/sites/intranet/files/structures/departements/diag/patho-pathmol_1.pdf	
Lymphome avec infiltration médullaire <input type="checkbox"/> Type <input type="checkbox"/> Waldenström	
<input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV	<input checked="" type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV
<input type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde* (inclus TP53,CXCR4,MYD88)	<input type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde* (inclus TP53,CXCR4,MYD88)
Autres néoplasies circulantes	
<input type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV	<input type="checkbox"/> Caryotype hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> FISH hématologique : transmis au CHUV <input type="checkbox"/> SNP array (puce à ADN) : transmis au CHUV
<input type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde * <input type="checkbox"/> Panel de translocation Hémavision **	<input type="checkbox"/> NGS Panel Myéloïde *

En vert = analyse réorientée au CHUV (STS 0651)